

## عنوان مقاله:

مروری جامع بر روشهای محاسباتی تغییرات پس از ترجمه پروتئین

## محل انتشار:

کنفرانس بین المللی پژوهش در علوم و تکنولوژی (سال: 1394)

تعداد صفحات اصل مقاله: 22

## نویسندگان:

شهین رمزی - دانشجوی کارشناسی ارشد بیوفیزیک، دانشکده علوم زیستی، دانشگاه تربیت مدرس، تهران

جواد ظهیری - استادیار، بیوفیزیک، دانشکده علوم زیستی، دانشگاه تربیت مدرس، تهران

سیدشهریار عرب - استادیار، بیوفیزیک، دانشکده علوم زیستی، دانشگاه تربیت مدرس، تهران

## خلاصه مقاله:

تغییرات پس از ترجمه پروتئین از مهمترین فرایندهای شناخته شده در سازماندهی پروتئین های عملکردی هستند و این فرایند درهسته سیتوپلاسم و برخی از اندامهای سلول اتفاق می افتد طبق مطالعات اخیر انواع تغییرات پس از ترجمه پروتئین ها بیش از 500 نوع بیان شده است بطور کلی جهت شناسایی این نوع تغییرات و جایگاه های مربوط به آن از روشهای ترجیحی و همچنین اطلاعات حاصل از اسپکترومتری جرمی استفاده میشود اما به دلیل دشواری و پرهزینه بودن این روشها تشخیص انواع تغییرات پس از ترجمه پروتئین ها در ابعاد وسیع امکان پذیر نمی باشد لذا در سالهای اخیر استفاده از روشهای محاسباتی به منظور تعیین تغییرات پس از ترجمه توجه بسیاری از محققان را به خود جلب نموده است در روشهای محاسباتی محققین با استفاده از اطلاعات حاصل از آنالیز داده های ترجیحی ویژگی های مناسبی از پروتئین ها را جهت آموزش روشهای یادگیری ماشین و همچنین جهت پیش بینی تغییرات پس از ترجمه استفاده می کنند

## کلمات کلیدی:

تغییرات پس از ترجمه پروتئین، یادگیری ماشین، بیوانفورماتیک، پیش گویی محاسبات

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/446892>

