

عنوان مقاله:

تجزیه روابط ژنتیکی برخی ارقام مرکبات شمال ایران با استفاده از نشانگر مولکولی ISSR

محل انتشار:

سومین کنفرانس بین المللی پژوهشهای کاربردی در علوم کشاورزی (سال: 1394)

تعداد صفحات اصل مقاله: 15

نویسندگان:

یلدا نقاشی - کارشناسی ارشد رشته زیست شناسی علوم گیاهی گرایش فیزیولوژیکی گیاهی دانشگاه آزاد اسلامی واحد تنکابن

بابک باباخانی - دانشگاه آزاد اسلامی واحد تنکابن، گروه زیست شناسی، تنکابن، ایران

خلاصه مقاله:

در این پژوهش تنوع ژنتیکی 29 رقم مرکبات شامل ارقام پرتقال، نارنگی، نارنج، پومو و تیپ های طبیعی با استفاده از نشانگرهای ISSR بررسی شدند. از مجموع 97 باند امتیاز دهی شده برای نشانگر ISSR، تعداد 78 باند، معادل 80/22 درصد باندها چند شکل بودند. بیشترین و کمترین درصد چند شکلی به ترتیب آغاز گره های ISSR-8 با 90% و ISSR-5 با 73% باند چند شکل نشان دادند. متوسط مقدار PIC در این آزمون 0/18 بود. بیشترین مقدار PIC را آغازگرهای ISSR-6 و ISSR-8 با 0/27 و کمترین میزان را آغازگر ISSR-1 با 0/12 نشان دادند. بررسی دندروگرام حاصل از تجزیه خوشه ای به روش UPGMA با ضریب تشابه تطابق ساده، ارقام مورد بررسی را به پنج گروه اصلی طبقه بندی کرد. پومو در بررسی ما در خوشه ای مجزا قرار داشت. نشانگر مولکولی ISSR، نارنگی انشو سوجی یاما و کلمانتین نولس را در دو گروه مجزا گروه بندی کردند. همه ژنوتیپ های سیاورز 1، سیاورز 2، سیاورز 3، سیاورز 4، تیپ های طبیعی ناشناخته، پرتقال پارسون براون و واشنگتن ناول در بررسی انجام شده در یک گروه قرار داشتند که قرابت بالایی به همدیگر نشان دادند. نشانگر مولکولی استفاده شده می تواند اطلاعات مفیدی درباره سطح چند شکلی و تنوع مرکبات را فراهم کنند، که نشان دهنده کاربرد آن در شناسایی ژرم پلاسم مرکبات می باشد.

کلمات کلیدی:

مرکبات، نشانگر ISSR، تنوع ژنتیکی، گروه بندی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/465525>

