

عنوان مقاله:

تنوع ژنتیکی سیب جنگلی هیرکانی با استفاده از نشانگر ISSR

محل انتشار:

چهارمین همایش سراسری کشاورزی و منابع طبیعی پایدار (سال: 1394)

تعداد صفحات اصل مقاله: 1

نویسندگان:

علی خدادوست - دانشجوی کارشناسی ارشد جنگلداری، دانشگاه تربیت مدرس

حامد یوسف زاده - استادیار گروه جنگلداری، دانشگاه تربیت مدرس

حمید عبدالمی - دانشیار بخش بیوتکنولوژی درختان میوه، موسسه تحقیقات تهیه و اصلاح نهال و بذر

خلاصه مقاله:

ارزیابی دقیق مقدار و پراکنش تنوع ژنتیکی در گونه های جنگلی به منظور تدوین راهبرد حفاظت و استفاده از منابع ژنتیکی از اهمیت ویژه ای برخوردار است. به منظور مطالعه ی تنوع ژنتیکی سیب جنگل هیرکانی، از 14 جمعیت آن، شش تا 10 پایه انتخاب، DNA استخراج و با استفاده از 4 آغازگر ISSR، الگوی الکتروفورزی آنها بررسی شد. نتایج نشان دهنده ی سهم بیشتر تنوع درون جمعیتی به تنوع بین جمعیتی (94 درصد در مقابل 6 درصد) در بین جمعیت های مورد مطالعه بود. بر اساس ضریب تشابه Nei، بیشترین فاصله ژنتیکی مربوط به جمعیت های سیاهبیل و ماسال و کمترین آن مربوط به جمعیت های یوش، افراتخته و دینکوه بود. با استفاده از آنالیز تجزیه به مولفه های اصلی (PCoA)، جمعیت های سیاهبیل و یوش از بقیه ی جمعیت ها کاملاً متمایز شدند. با توجه به تفاوت بارز در گرادیان جغرافیایی و ارتفاعی جمعیت های موجود در این مطالعه و درصد پایین تنوع بین جمعیتی به نظر می رسد جریان ژنی در بین جمعیت های مختلف به دلیل خودناسازگاری و دگرآمیزی در اینگونه بسیار سریع اتفاق می افتد. در بین جمعیت های مورد مطالعه در این تحقیق تمایز جمعیت سیاهبیل به دلیل استقرار در ناحیه جلگه ای، قابل ملاحظه است. همچنین در جمعیت یوش پایه های مستقر در ارتفاعات بالاتر رفتاری متفاوت نسبی به پایه های همان جمعیت در ارتفاعات پایین تر نشان می دهند.

کلمات کلیدی:

جنگل های هیرکانی، تنوع ژنتیکی، سیب وحشی، نشانگر ISSR

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/472676>

