

عنوان مقاله:

ارائه روش جدید تعیین سرخوشه ها بر اساس آنالیز مولفه اصلی در فرایند تنظیم ژن

محل انتشار:

کنفرانس بین المللی مهندسی کامپیوتر و فناوری اطلاعات (سال: 1395)

تعداد صفحات اصل مقاله: 8

نویسندگان:

معصومه مقصودی - دانشجوی کارشناسی ارشد کامپیوتر- نرم افزار - دانشگاه آزاد اسلامی، واحد زنجان، گروه فنی مهندسی، زنجان، ایران

حسین برومندنوقایی - استادیار - دانشگاه آزاد اسلامی، واحد زنجان، گروه فنی مهندسی، زنجان، ایران

خلاصه مقاله:

در سلول های هر موجود زنده، یک ماده شیمیایی حیاتی به نام نوکلید اسید موجود است؛ که ماده ی ژنتیک سلول را تشکیل می دهد. ماده ی ژنتیک، عاملی است که باعث انتقال خصوصیات و ویژگی های یک نوع جاندار از نسلی به نسل دیگر می شود. نوکلئیک اسیدهای موجود در سلول بر دو نوعند: ا.ر.ا.ی و دی.ان.ا. جهش های ژنتیکی یا سموم محیطی، باعث می شوند سلول ها به نحو متفاوتی عکس العمل نشان دهند و این عکس العمل، بیشتر به طریقه نامطلوب است. بنابراین درک فرایند تنظیم ژن، نه تنها برای درک بیماری، بلکه برای ارائه درمان مناسب نیز کاربرد دارد. در این مقاله افزایش کارایی ساخت شبکه تنظیم ژن با استفاده از ارائه روش جدید تعیین سرخوشه ها بر اساس آنالیز مولفه اصلی در فرایند تنظیم ژن می باشد. به طوری که بعد از ساخت شبکه تنظیم ژن اگر بخواهیم خوشه های مختلف را به یکدیگر وصل کنیم و شبکه ها ی هر خوشه را همبند نماییم باید برای هر خوشه یک نماینده مناسب انتخاب شود و نماینده ها را به یکدیگر وصل کنیم. سپس شبکه بین این نماینده ها ساخته می شود. نتایج حاصل از آزمایشات نشان می دهد روش پیشنهادی نرخ تشخیص را بهبود داده است.

کلمات کلیدی:

آنالیز مولفه های اصلی، سر خوشه، استنتاج شبکه تنظیم ژن

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/494150>

