

عنوان مقاله:

اپیدمیولوژی و تنوع ژنتیکی ویروس هیپاتیت ب و ث و مارکرهای مولکولی تشخیصی در ژن هسته ویروس هیپاتیت ث

محل انتشار:

سومین کنفرانس ملی و اولین کنفرانس بین المللی پژوهش های کاربردی در علوم شیمی و مهندسی شیمی و سومین کنفرانس ملی و اولین کنفرانس بین المللی پژوهش های کاربردی در زیست شناسی (سال: 1395)

تعداد صفحات اصل مقاله: 12

نویسندگان:

معصومه یوسفی نای بین - دانشجوی کارشناسی ارشد گروه بیوتکنولوژی میکروبی، واحد ارومیه دانشگاه آزاد اسلامی ارومیه ایران

پیمان زارع - استادیار گروه پاتوبیولوژی واحد تبریز دانشگاه تبریز ایران

خلاصه مقاله:

بیماری هیپاتیت ب و ث در اکثر موارد به صورت التهاب مزمن کبدی نمایان می شود و در طولانی مدت می تواند به سیروز و یا سرطان کبد منتهی می شود تلاشهای زیادی در جهت درمان و کنترل این بیماری که به عنوان یک معضل بهداشتی در جهان مطرح می باشد انجام گرفته و می گیرد تحقیقات اخیر در زمینه بیولوژی ویروس منجر به پیدایش مارکرهای تشخیصی از جمله ژنوتیپ ویروس هیپاتی ب و ث و جستجوی سویه های جهش یافته در ژن هسته شده است از طرف دیگر توزیع فراوانی انواع ژنوتیپ ویروس در جوامع مختلف متفاوت بوده و نشان دهنده ارتباط بین ژنوتیپ و سروتیپهای مختلف در جهان می باشد تعیین توزیع انواع مختل ژنوتیپ هیپاتیت باید بصورت منطقه ای در هر کشور مشخص شود چون تعیین پروتکل درمانی جهت اعمال ضدویروسی براساس نوع ژنوتیپ متفاوت خواهد بود در این تحقیق تعدادی مقاله منتشر شده مربوط به شیوع ژنوتیپ های ویروس هیپاتیت ب و ث و ارقام جهش یافته این ژنوتیپ های جستجو شدند. نتایج این تحقیق نشان می دهد که در افراد مبتلا هیپاتیت D در کشورهای آمریکایی لاتین ژنوتیپ F,H در آفریقا ژنوتیپ E,A می باشد همچنین در افراد مبتلا هیپاتیت ث ژنوتیپ 1 در ایالات متحده آمریکا و شمال اروپا، ژنوتیپ 2 در کشورهای جنوب صحرای آفریقا و مرکز و غرب آفریقا و جنوب شرق آسیا ژنوتیپ 5 در کشورهای آفریقای جنوبی آفریقا و شرق دور و شبه قاره هند ژنوتیپ 4 در کشورهای شرق میانه و آفریقا ژنوتیپ 5 در کشورهای آفریقای جنوبی ژنوتیپ 6 در کشورهای جنوب چین و جنوب شرق آسیا گسترش بالایی دارند سیروز کبدی در ژنوتیپ 1 و 4 شایع تر است با ورود داروهای مهار کننده پروتئاز ویروس به عرصه درمان بیماری هیپاتیت ث و مشاهده مقاومت دارویی به ایندسته از درمانها بررسی ژنوم ویروس هیپاتیت ث از نظر وجود جهش های مرتبط با مقاومت به مهارکننده های پروتئاز اهمیت پیدا کرده است. در ویروس هیپاتیت ث از دو مارکر پلی مورفیسمهای ژن IL28B و ژنوتیپ پلی مورفیسم های ژن ITPA برای تشخیص جهشهای مرتبط با مقاومت به مهارکننده ها استفاده می شود.

کلمات کلیدی:

ویروس هیپاتیت ب و ث، ژنوتیپ، اپیدمیولوژی، مارکرهای مولکولی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/517318>

