

عنوان مقاله:

نسب شناسی ژنی برای قطعه توالی های افتراقی بیان شده *Trichoderma harzianum* در طول کلونیزه شدن اسپرموسفر و سطح ریشه گوجه فرنگی

محل انتشار:

دو فصلنامه دانش گیاه پزشکی ایران، دوره 45، شماره 1 (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 14

نویسندگان:

مهدی مهرابی کوشکی - استادیار بیمار شناسی گیاهی گروه گیاه پزشکی دانشکده کشاورزی دانشگاه شهید چمران اهواز ایران

حمید روحانی - استاد گروه گیاه پزشکی دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد ایران

عصمت مهدیخانی مقدم - دانشیار بیماری شناسی گیاهی گروه گیاه پزشکی دانشکده کشاورزی دانشگاه فردوسی مشهد ایران

خلاصه مقاله:

بعضی سویه های تریکودرما به عنوان عامل کنترل بیولوژیک علیه بیمارگرهای گیاهی استفاده شده اند روش نمایش افتراقی تکثیر نسخه های معکوس mRNA DDRT-PCR استفاده شد تا ژن های متمایز بیان شده سویه *T. harzianum* در طول مراحل کلونیزه شدن اسپرموسفر و سطح ریشه گوجه فرنگی ردیابی شود تولیدات DDRT-PCR روی ژل آگارز تفکیک و 42 باند افتراقی برش خالص سازی همسانه سازی و توالی یابی شد قطعه توالی های بیان شده به دست آمده با استفاده از جست و جوی BLAST2GO به پایگاه اطلاعات NCBI معرفی و نسب شناسی ژنی آنها بررسی شد اغلب قطعه توالی های بیان شده مرتبط با پروتئین های شناخته شده یا فرضی بود این پروتئین ها مرتبط با گروه های کارکردی مختلف بودند و عمدتاً در سوخت و ساز انتقال سیگنال درون و بین سلولی بر هم کنش با میزبان انتقال پروتئین ترجمه پروتئین ها کنترل رشد و بقای سلولی عادت به تغییرات محیطی انتقال مولکول های زیستی بین هسته و سیتوپلاسم تنظیم کارکرد پروتئین ها تقسیم سلولی تسریع در واکنش های آنالوگ تعمیر مولکول های آسیب دیده DNA و دیگر کارکردهای حیاتی در موجودات مختلف نقش داشتند بعضی قطعه توالی های بیان شده ردیابی شده در این مطالعه مرتبط با ژن هایی بودند که آنزیم های درگیر در تامین غذایی تریکودرما را در زیستگاه شان کد می کنند

کلمات کلیدی:

کارکرد ژن BLAST2GO, DDRT-PCR, ESTs

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/570781>

