

عنوان مقاله:

تجزیه و تحلیل مولکولی ناحیه ND6 از DNA میتوکندری بز عدنی

محل انتشار:

سومین همایش یافته های نوین در محیط زیست و اکوسیستم های کشاورزی (سال: 1395)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

نویسندگان:

سیروس عبدی وندی - دانشگاه آزاد اسلامی، واحد بهبهان، گروه علوم دامی، بهبهان، ایران

حمیدرضا سیدآبادی - استادیار موسسه تحقیقات علوم دامی کشور، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران

نعمت ... رحیمی زاده - دانشگاه آزاد اسلامی، واحد بهبهان، گروه علوم دامی، بهبهان، ایران

خلاصه مقاله:

بز بومی علاوه بر اهمیتی که در بهبود اقتصاد خانوارهای روستایی دارند به عنوان ذخایر مهم ژنتیکی به حساب آمده، که حفظ تنوع ژنتیکی در جمعیت های بومی بز نقاط مختلف ایران به دلیل اندازه کم جمعیت آنان برای انجام برنامه های اصلاح نژادی و افزایش تولید ضروری است. اولین گام در این راه تعیین تنوع ژنتیکی در این جمعیت ها است. در بین نشانگرهای ژنتیکی، توالی یابی ژنوم میتوکندری یکی از بهترین و رایج ترین روش ها برای طبقه بندی ژنتیکی جمعیت ها و گونه های نزدیک به هم، بررسی امکان اشتقاق گونه های مختلف از یک جد مشترک، مطالعه رابطه فیلوژنی هر موجود با سایر گونه ها و نژادها و دست یابی به راه کارهایی برای حفظ ذخایر ژنتیکی می باشد. هدف از این تحقیق تعیین توالی ناحیه ND6 از ژنوم میتوکندری جمعیتی از بز عدنی می باشد. به این منظور از تعداد 30 راس بز عدنی به طور تصادفی خون گیری انجام شد. پس از استخراج DNA از آن ها ناحیه ND6 با استفاده از پرایمرهای اختصاصی با تکنیک PCR تکثیر شده و قطعات تکثیر شده پس از خالص سازی توالی یابی شدند. پس از اخذ توالی های مشابه ژنوم میتوکندری دیگر نژادهای موجود در بانک جهانی ژن، درخت فیلوژنی با استفاده از آن ها ترسیم شد. نتایج فیلوژنی مشخص کرد که بز عدنی ایران با بزهای بومی چین و ایتالیا در یک دسته قرار دارد که این امر ممکن است به دلیل حفاظت شده بودن ناحیه ND6 در بز باشد.

کلمات کلیدی:

ژنوم میتوکندری، ناحیه ND6، تعیین توالی، فیلوژنی، بز عدنی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/586411>

