

## عنوان مقاله:

بررسی تنوع آلی و گروه بندی ژنوتیپ های مختلف گندم نان (*Triticum aestivum* L.) به کمک نشانگرهای ریزماهواره

## محل انتشار:

سومین همایش یافته های نوین در محیط زیست و اکوسیستم های کشاورزی (سال: 1395)

تعداد صفحات اصل مقاله: 11

## نویسندگان:

سحر سلیمانی - دانش آموزخته کارشناسی ارشد، گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه گیلان

علی اعلمی - استادیار، گروه بیوتکنولوژی کشاورزی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه گیلان

عاطفه صبوری - استادیار، گروه زراعت و اصلاح نباتات کشاورزی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه گیلان

## خلاصه مقاله:

این پژوهش به منظور ارزیابی تنوع ژنتیکی 67 ژنوتیپ گندم نان با استفاده از 15 جفت آغازگر SSR انجام شد. پس از استخراج و تکثیر نواحی ریزماهواره به کمک PCR آشکارسازی روی ژل آغاز 2 درصد انجام شد و نوارهای حاصله نمره دهی و آنالیز شدند، نتایج نشان داد که در مجموع 47 آلل مختلف در تمام ژنوتیپ ها تکثیر شده اند. تعداد آلل تکثیر شده توسط آغازگرها از 2 آلل (آغازگرهای gwm106, gwm52, gwm325, gwm194, gem183, xbarc1142متغیر, gwm157, gwm205, xbarc185 تا 7 آلل در آغازگر xbarc1142متغیر) بود. میانگین تعداد آلل 13/3 در هر مکان ژنی بود. در این مطالعه بیشترین میزان چند شکلی (PIC) مربوط به آغازگر gwm52 با مقدار 45/0 و کمترین میزان چند شکلی مربوط به آغازگر gwm183 با مقدار 17/0 و میانگین PIC برابر 36/0 بود. ماتریس تشابه بین ژنوتیپ های مورد مطالعه با استفاده از ضریب تشابه جاکارد و گروه بندی به روش Linkage Complete تشکیل شد. تجزیه خوشه ای توانست 67 ژنوتیپ مورد مطالعه گندم نان را در سه گروه (به ترتیب 17، 49 و 1 ژنوتیپ در گروه های اول تا سوم) از هم تفکیک نماید و به نظر می رسد با توجه به قرابت ژنتیکی بالای ارقام گندم نان ایرانی، نشانگرهای مورد بررسی توانسته اند تمایز مناسبی بین ارقام نشان دهند.

## کلمات کلیدی:

اطلاعات چند شکلی، تنوع ژنتیکی گندم نان، نشانگر SSR

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/586506>

