

عنوان مقاله:

ارزیابی بیوانفورماتیکی مسیرهای سیگنالی تارگتوم hsa-miR-3934 و عملکرد SNP مرتبط با آن(rs2976394) در افراد مبتلا به سرطان معده

محل انتشار:

کنگره ملی پژوهش و نوآوری در زیست فناوری (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

نویسندگان:

بهاره صمدی - بخش ژنتیک، گروه زیست شناسی، موسسه آموزش عالی نوردانش، میمه، اصفهان، ایران

کامران قایدی - بخش زیست شناسی سلولی م مولکولی، گروه زیست شناسی، دانشکده علوم، دانشگاه اصفهان، اصفهان، ایران

محمدحسین صنعتی - پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فناوری، شهرک پژوهش، کیلومتر ۱۵، بزرگراه تهران-کرج، تهران، ایران

منصوره آزاده - زیست فناوری نوین، آموزشگاه بیوتکنولوژی، اصفهان، ایران

خلاصه مقاله:

در سال های اخیر سرطان معده دومین علت مرگ و میر در اثر سرطان به شمار می رود که علاوه بر هزینه های قابل توجه، مشکلات عدیده ای را بر خانواده ها تحمیل نموده و خود توجیه مناسبی جهت شناسایی بیومارکرهای مرتبط می باشد. بدین علت برای یافتن اطلاعات بیوانفورماتیکی بیشتر در این رابطه سایت های miRBase، miRNASNP، NCBI، miRWalk2.0، phenomiR و DAVID مورد استفاده قرار گرفت. مطالعات انجام شده در سایت های NCBI بیانگر آن است که یکی از ژن های درگیر با این بیماری ژن PSCA در جایگاه کروموزومی 8q24.2 می باشد. در این ارتباط به منظور شناسایی میکرو RNA های مرتبط با آن از پایگاه های داده miRNASNP و miRdSNP استفاده شد. بررسی ها در جایگاه rs2976394 مشخص ساخت که آلل C به T تبدیل میشود، که ممکن است بر اتصال و عملکرد میکرو RNA های مرتبط با این ناحیه اثر بگذارد. در نهایت hsa-miR-3934 به عنوان یکی از مهمترین میکرو RNA های مرتبط با این ژن مشخص شده و با توجه به تایید نقش hsa-miR-3934 در سرطان معده از طریق پایگاه های داده بیوانفورماتیکی از جمله phenomiR، بدست آوردن ژن های هدف آن از طریق پایگاه داده miRWalk2.0 و ارزیابی مسیرهای سیگنالی مرتبط با آن با استفاده از پایگاه داده DAVID، این میکرو RNA به منظور آنالیزهای بعدی انتخاب گردید

کلمات کلیدی:

سرطان معده، بیوانفورماتیک، ژن PSCA، میکرو hsa-miR-3934 (RNA)، چندریختی تک نوکلئوتیدی rs2976394

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/660276>

