

عنوان مقاله:

توالیابی نمونه قارچی با کد شناسایی 81 از طریق نواحی ITS1 و ITS4

محل انتشار:

اولین کنفرانس بین المللی فناوری های نوین در علوم (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

نویسندگان:

علی قنبری - گروه بیوتکنولوژی و به نژادی گیاهی، دانشکده علوم زراعی، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی، ساری، ایران

حسین جعفری - موسسه تحقیقات کشاورزی، زنجان، ایران

خلاصه مقاله:

با پیشرفت های اخیر در زیست شناسی مولکولی و توسعه فناوری هایی مثل توالی یابی ژنی و ژنومی، کشف و شناسایی گونه های جدید در گروه های مختلف موجودات زنده به ویژه قارچ ها روند افزایشی به خود گرفته است. همچنین با توجه به ناکارآمدی روش های مبتنی بر مورفولوژی برای شناسایی گونه های قارچی، استفاده از تکنیک های جدید مبتنی بر داده های DNA، جایگاه خاصی را در شناسایی سریع و دقیق گونه های قارچی پیدا کرده است. توالی یابی از طریق نواحی فاصله انداز بین ژنی اپران RNA ریبوزومی یکی از این تکنیک ها می باشد. بدین منظور ژن نمونه با کد شناسایی 18 پس از جداسازی و استخراج DNA و تکثیر با PCR توسط شرکت Bioneer توالی یابی شد، سپس توالی شناسایی شده پس از ویرایش، در موتور جستجوی بانک جهانی (NCBI) مورد همردیفی (BLAST) قرار گرفت. نتایج بدست آمده از طریق همردیفی و آنالیز خوشه-ای روابط فیلوژنی نشان داد که نمونه قارچی با کد شناسایی 18 دارای همولوژی بالای 99 درصد با گونه های دو جنس *Microsphaeropsis* و *Phoma* می باشد.

کلمات کلیدی:

توالی یابی، فاصله انداز، فیلوژنی، گونه های قارچی، همردیفی، همولوژی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/673398>

