

عنوان مقاله:

بررسی تنوع زیر واحدهای گلوتنین با وزن ملکولی بالا (GS-HMW) در نمونه های crassa Aegilops بومی ایران

محل انتشار:

فصلنامه علوم گیاهان زراعی ایران، دوره 40، شماره 3 (سال: 1388)

تعداد صفحات اصل مقاله: 10

نویسندگان:

مهسا بام نشین - دانشجوی کارشناسی ارشد پردیس کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه تهران

محمدرضا نقوی - دانشیار پردیس کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه تهران

علیرضا طالعی - استادیار پردیس کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه تهران

محمدجعفر آقایی - محقق موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر، بخش ژنتیک

خلاصه مقاله:

در این تحقیق تنوع زیرواحدهای گلوتنین با وزن ملکولی بالا (GS-HMW) (در 120 نمونه crassa Aegilops با دو نوع ژنوم تتراپلوئید (4x=2n=28) و هگزاپلوئید (6x=2n=42) با روش PAGE-SDS مورد مطالعه قرار گرفت. الگوی نواربندی متفاوتی بین نمونههای تتراپلوئید و هگزاپلوئید و همچنین داخل سطوح پلوئیدی برای زیرواحدهای گلوتنین مشاهده شد. یازده واریانت آللی مختلف در مشاهده شد. حداکثر فراوانی نسبی مربوط به واریانت آللی 3+12 با فراوانی cr1 9/30 مکان ژنی D-Glu درصد و حداقل آن مربوط به واریانت 2+10 با فراوانی 5/0 درصد بود. علاوه بر آلل های شناخته شده در ژنوم D، آلل جدید دیگری که بین آلل 1، 12، و T2 قرار میگرفت، مشاهده گردید. همچنین شش آلل جدید دیگر که در محدوده ژنوم D قرار نمیگرفتند و در نتیجه احتمالا مربوط به ژنوم M می باشند، مشاهده گردید. تجزیه کلاستر و تجزیه به مختصات اصلی نتوانستند نمونههای مورد مطالعه را بر اساس مناطق جغرافیایی از همدیگر تفکیک نمایند. نتایج این تحقیق نشان میدهد که نمونههای crassa. Ae. مورد مطالعه یک منبع مناسبی از زیر واحدهای گلوتنین با وزن ملکولی بالا میباشد که میتوانند در راستای بهبود کیفیت گندم مورد مطالعه قرار گرفته و در صورت اثبات سودمندی آنها در برنامههای اصلاحی استفاده گردند.

کلمات کلیدی:

crassa Aegilops، تنوع ژنتیکی، زیر واحدهای گلوتنین با وزن ملکولی بالا

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/704336>

