

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی در ارقام بومی و سنتتیک یونجه با نشانگر پروتیین ذخیره ای بذر

محل انتشار:

فصلنامه علوم گیاهان زراعی ایران، دوره 41، شماره 1 (سال: 1389)

تعداد صفحات اصل مقاله: 9

نویسندگان:

حسن مانوسی - دانشجوی سابق کارشناسی ارشد دانشکده کشاورزی دانشگاه زابل

مصطفی ولیزاده - استادیار دانشکده کشاورزی دانشگاه تبریز

سعید زهتاب سلماسی - استادیار دانشکده کشاورزی دانشگاه تبریز

سعید اهری زاده - استادیار دانشکده کشاورزی دانشگاه تبریز

خلاصه مقاله:

به منظور ارزیابی تنوع ژنتیکی جمعیت سنتتیک یک (Syn) با جمعیت آزادگرده افشان نسل اول (Syn) و یکی از ارقام والدی (قره یونجه)، حدود 35 تا 50 فرد از هر جمعیت از طریق سه نوع پروتیین ذخیره ای تک بذر مورد مطالعه قرار گرفتند. انجام الکتروفورز SDS-PAGE پروتیین های ذخیره ای تک بذر (S1, S2, S3) برای سه جمعیت یونجه نشان داد که میانگین فاصله افراد درون جمعیتی براساس ضریب تطابق ساده در Syn و قره یونجه به ترتیب 0.274 ± 0.0054 و 0.270 ± 0.0081 بدون اختلاف معنی دار هستند ولی این میانگین در جمعیت Syn بطور معنی داری کمتر و برابر 0.251 ± 0.0081 بود که نشان دهنده شباهت بیشتر افراد در نسل Syn است. بنابراین نتایج حاصله نشان داد که جمعیت سنتتیک یک و قره یونجه در پروتیین های بررسی شده (S1, S2, S3) و پروتیین های کل (بیشترین فاصله ژنتیکی درون جمعیتی را به خود اختصاص داده اند. اطلاع از فاصله ژنتیکی با استفاده از نشانگرهای پروتیینی در کنار نشانگرهای دیگر از جمله مورفولوژیکی و دی.ان.ای می تواند در شناسایی والدین مناسب برای برنامه های دورگ گیری و توسعه هیبرید مناسب باشد.

کلمات کلیدی:

یونجه، سنتتیک یک، میزان تنوع در نسل ها، نشانگر پروتیین

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/704377>

