

عنوان مقاله:

مدل سازی سیستم پروتئین سازی در پروکاریوت ها و تاثیر فیزیکی و شیمیایی محیط بر روی آن با استفاده از محاسبات مکانیکی مولکولی و کوانتومی QM/MM

محل انتشار:

همایش ملی یافته های نوین شیمی در صنعت پزشکی (سال: 1388)

تعداد صفحات اصل مقاله: 9

نویسندگان:

مازیار نوعی - دانشکده شیمی؛ دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات تهران

فاطمه ملاامین - دانشکده شیمی؛ دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات تهران

حسین آقایی - دانشکده شیمی؛ دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات تهران

سیدمسعود هاشمی - دانشکده تحصیلات تکمیلی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد شهر ری

خلاصه مقاله:

در این مقاله یک سیستم پروتئین سازی در سلول های پروکاریوتی توسط نرم افزارهای کامپیوتری Hyper و Gaussian و chem Office و مدل سازی شده است. و ضمن شناسایی اجزاء اصلی پروتئین سازی و نحوه اتصالات آن ها با یکدیگر، اثرات محیط شیمیایی و فیزیکی را بر روی آن ها مورد مطالعه قرار داده، برای این منظور اتصالات آدنیلی + فرمیل میتونین و ریبوزوم + mRNA و mRNA+tRNA و زنجیره پپتیدی tRNA + ریبوزوم tRNA را در برنامه کامپیوتری Hyper chem. مدل سازی کرده و محاسبات مکانیک مولکولی را در محیط آبی با غلظت مختلف در دماهای مختلف بر روی آنها انجام دادیم و سپس توسط نرم افزار Gaussian98 در سطح تئوری HF/6- و HF/3-21G و HF/6-31G و HF/6-31G* آن ها را از لحاظ هندسی بهینه سازی کرده و از خروجی های Gaussian نتیجه گرفتیم که اتصالات فوق در محیط گازی پایدار نبوده و پایداری آن ها در محیط آبی بیشتر می باشد، و همچنین در اتصال tRNA به فرمیل میتونین، پیوند کربن از باز آلی آدنین در tRNA و همچنین نیتروژن از عامل (NH2) C-N دارای پر شدت ترین ارتعاش بوده و بعد از آن اسید آمینه میتونین در گروه فنیل (CHO-) دارای پیوند (C=O) با ارتعاش قوی می باشد، این دو از خروجی گوسین و براساس محاسبات فرکانس نتیجه شده اند و ناپایدارترین پیوندها در این اتصال می باشند.

کلمات کلیدی:

ریبوزوم-فرمیل میتونین-گوسین- اسید آمینه- پروکاریوت- آدنین - مدل سازی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/71098>

