

عنوان مقاله:

طبقه بندی مولکولی و تجزیه و تحلیل شجره ای ژنوتایپ های LPS1-8 جدایه های پاستورلا مولتوسیدا ی طیوری در ایران با استفاده از روش LPS- PCR typing

محل انتشار:

فصلنامه دامپزشکی، دوره 30، شماره 2 (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 8

نویسندگان:

زهرا یزدان پور - دانشجوی کارشناسی ارشد، گروه میکروب شناسی پزشکی، موسسه تحقیقات واکسن و سرم سازی رازی

احمد رضا جباری - آزمایشگاه ملی تحقیقات پاستورلا، موسسه تحقیقات واکسن و سرم سازی رازی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی

مجید اسمعیلی زاد - بخش آزمایشگاه مرکزی و تجهیزات دقیق، موسسه تحقیقات واکسن و سرم سازی رازی، سازمان تحقیقات، آموزش و ترویج کشاورزی

رقیه مصری - کارشناس ارشد ژنتیک، گروه علوم سلولی مولکولی، دانشکده علوم زیستی، دانشگاه خوارزمی، تهران - ایران

خلاصه مقاله:

پاستورلا مولتوسیدا یک پاتوژن گرم منفی و مهم در دامپزشکی می باشد که براساس آنتی ژن پلی ساکاریدی به 16 سروتایپ با استفاده از روش ژل دیفیوژن تقسیم میشود. در این مطالعه روش LPS PCR typing برای تایپینگ مولکولی و آنالیز فیلوژنیک ژنوتایپ های 8 - LPS1 جدایه های پاستورلا مولتوسیدا از طیور ایران به کار گرفته شد. در این مطالعه 30 جدایه طیوری پاستورلا مولتوسیدا در محیط کشت اختصاصی (BHI) کشت داده شده و DNA ژنومی آنها به روش جوشاندن استخراج گردید. شناسایی به روش بیوشیمیایی و مولکولی انجام گردید. ژنوتایپینگ لیپوپلی ساکاریدی به روش LPS-PCR و با استفاده از پرایمرهای اختصاصی انجام شد. محصولات PCR از هر یک از ژنوتایپ ها تعیین سکانس شده و ارتباط آن ها با توالیهای موجود در Gen bank مقایسه گردید. تمام ایزوله های مورد بررسی با روش LPS-PCR قابل تیپ بندی بودند. از بین جدایه ها، 18 جدایه دارای ژنوتیپ 60/L1 درصد) و 4 جدایه دارای ژنوتیپ 13/33/L2 درصد) و 5 جدایه دارای ژنوتیپ 16/66/L3 درصد) و 2 جدایه دارای هر سه ژنوتیپ 6/66/L3,L2,L1 درصد) و 1 جدایه دارای دو ژنوتیپ 3/33/L3,L2 درصد) بودند. هیچکدام ایزوله ای با ژنوتیپ های دیگر شناسایی نشدند ژنوتیپ های L8-L4 در بین جدایه های مطالعه شده شناسایی نشدند. در مقایسه نتایج توالی نوکلئوتیدی جدایه های بومی ایران با جدایه های موجود در Genbank اختلافات قابل توجه وجود داشت. روش LPS PCR typing نشان داد که سه ژنوتیپ L1, L2 و L3 پاستورلا مولتوسیدا در جدایه های بومی ایران حضور دارند. این تحقیق نشان داد که روش LPS- PCR یک سیستم تایپینگ مناسب برای افتراق بین جدایه های پاستورلا مولتوسیدا میباشد

کلمات کلیدی:

پاستورلا مولتوسیدا، طیور، ژنوتایپینگ، LPS- PCR

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/721486>



