

عنوان مقاله:

مقایسه پروفایل تنوع CNV در ژنوم گوسفند با گاو هلشتاین

محل انتشار:

فصلنامه تولیدات دامی، دوره 19، شماره 1 (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 12

نویسنده:

مریم نصرتی - استادیار، گروه علوم کشاورزی، دانشگاه پیام نور، تهران ایران

خلاصه مقاله:

هدف از این پژوهش مقایسه CNV در تعدادی از نژادهای گوسفند ایتالیا با گاو هلشتاین بود. از 580 راس گاو نر هلشتاین و 360 راس گوسفند نمونه خون تهیه و DNA آن استخراج شد. ژنوتیپ چند شکلی های تک نوکلئوتیدی سراسر ژنوم با تراشه 50k گاوی و گوسفندی در هر دو گونه تعیین شد. با استفاده از نرم افزار PennCNV تعداد 904 تنوع با میانگین طول 7 / 154 kb و میانه kb 103 / 7 در گوسفند و 744 مورد با میانگین طول 7 / 213 kb و میانه 5 / 124 kb در گاو شناسایی شد. کل طول این تنوع در ژنوم گوسفند 8 / 5 Mb و در ژنوم گاو 80 Mb بود. پس از ترکیب نواحی مشابه تعداد 35 ناحیه تنوع پر تکرار در ژنوم گوسفند و 141 مورد در ژنوم گاو شناسایی شد، فقط 20 درصد نواحی CNV در ژنوم نژادهای گوسفند با ژنوم گاو هلشتاین همپوشانی داشت. علاوه بر این، نواحی این تنوع در ژنوم گوسفند با 40 ژن مرجع و QTL 62 در ژنوم گاو، و 110 ژن مرجع در ژنوم انسان بطور کامل یا جزئی همپوشانی داشت. توزیع تنوع ها در هر دو گونه در نواحی ساب تلومریک و پری سانترومریک بیشتر بود. بر اساس این نتایج، شاید بتوان از روی پیوستگی این تنوع با نواحی ژنی در ژنوم گاو ژنها و QTL های ژنوم گوسفند را شناسایی نمود. برای کسب نتایج دقیق تر مطالعات بیشتری نیاز است.

کلمات کلیدی:

پروفایل مقایسه ای ژنوم، تنوع ژنوم، گاو هلشتاین، گوسفند، CNV

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/752455>

