

## عنوان مقاله:

آنالیز بیوانفورماتیکی به منظور پیش بینی microRNA های دخیل در فرایند EMT

## محل انتشار:

ششمین کنگره ملی زیست شناسی و علوم طبیعی ایران (سال: 1397)

تعداد صفحات اصل مقاله: 8

## نویسندگان:

صدیقه سادات مرتضوی - کارشناسی ارشد زیست شناسی سلولی و مولکولی گرایش ژنتیک گروه زیست شناسی دانشکده علوم پایه دانشگاه شهید باهنر کرمان

صدیقه غربی - استادیار گروه زیست شناسی دانشکده علوم پایه دانشگاه شهید باهنر کرمان

مریم شاه علی - استادیار بخش کنترل کیفیت، مجتمع تولیدی تحقیقاتی انستیتو پاستور ایران

## خلاصه مقاله:

لاتین EMT مرحله ای مهم در پیشرفت بسیاری از سرطان ها و فرایندی ضروری برای تهاجم سلول های اپی تلیالی به غشاء پایه و متاستاز به نقاط دیگر بدن می باشد. microRNA ها، کلاس جدیدی از تنظیم کننده های EMT هستند. در این مطالعه مهار بیان ژن های N- کدهرین و ویمنتین توسط microRNA ها با استفاده از پایگاه داده های TargetScan ، DIANA ، miRSystem مورد بررسی بیوانفورماتیکی قرار گرفت. طبق نتایج حاصله، hsa-miR-124-3p ، miRSystem می تواند به صورت بالقوه دو ژن مذکور را هدف قرار دهند. بنابراین، این دو microRNA، گزینه های مناسبی جهت بررسی های آزمایشگاهی و یافتن راه های جدید برای پیشگیری از پیشرفت سرطان می باشند.

## کلمات کلیدی:

EMT، argetScan ، miRSystem ، microRNA

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/848858>

