

عنوان مقاله:

خصوصیات فیلوژنتیکی ویروس کمخونی عفونی جوجه یافت شده در جوجه های گوشتی استان چهار محال و بختیاری، ایران

محل انتشار:

نشریه میکروبیولوژی دامپزشکی، دوره 13، شماره 1 (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 9

نویسندگان:

ایرج کریمی - گروه پاتوبیولوژی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه شهرکرد

محمد رضا محزونیه - گروه پاتوبیولوژی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه شهرکرد، شهرکرد

جعفر براتی - دانش آموخته دکتری عمومی دامپزشکی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه شهرکرد

خلاصه مقاله:

ویروس عامل کمخونی عفونی جوجه موجب کمخونی شدید، آنروپی تیموس، بورس، طحال، مغز استخوان، سرکوب ایمنی و افزایش حساسیت نسبت به سایر عوامل بیماریزا می شود. عفونت تحت بالینی با این ویروس موجب بروز خسارت اقتصادی فراوانی در گله های جوجه گوشتی می شود. راه های تشخیص این بیماری شامل جداسازی ویروس در کشت سلول، جستجوی ژنوم این ویروس با آزمایش PCR، و آزمایش های سرولوژی است. اهداف مطالعه حاضر جستجو و تعیین توالی بخشی از ژنوم ویروس کمخونی عفونی توسط آزمایش PCR و روش تعیین توالی مستقیم بود. 77 نمونه کبد جوجه متعلق به 8 مرغداری مختلف اطراف شهرکرد در استان چهار محال و بختیاری مورد آزمایش PCR قرار گرفت. از این تعداد 19 نمونه متعلق به 4 مرغداری مختلف مثبت بودند. شباهت توالی نوکلئوتیدی 4 نمونه مثبت از محصولات PCR از مرغداری های مذکور 100% بود. توالی نوکلئوتیدی موارد مثبت بیشترین شباهت را با جدایه های هند، مالزی، آلمان و چین نشان دادند. با توجه به شباهت فیلوژنتیک به نظر می رسد که جدایه شهرکرد و هاریانا و ماهاراشترا خاستگاه یکسانی دارند.

کلمات کلیدی:

ویروس کمخونی عفونی جوجه، آزمایش زنجیره ای پلیمرز، فیلوژنی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/891805>

