

## عنوان مقاله:

ارزیابی تنوع ژنتیکی تعدادی از ژنوتیپ های تمشک سیاه بی خار با استفاده از نشانگر مولکولی ISSR

## محل انتشار:

دومین کنفرانس بین المللی و ششمین کنفرانس ملی کشاورزی ارگانیک و مرسوم (سال: 1398)

تعداد صفحات اصل مقاله: 7

## نویسندگان:

کلتوم شیری رستمی - دانشجو کارشناسی ارشد علوم باغبانی گرایش بیوتکنولوژی و ژنتیک دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری

حسین مرادی - استادیار دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری

مهدی حدادی نژاد - استادیار دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری و پژوهشکده فناوری های زیستی گیاهان دارویی

## خلاصه مقاله:

میزان و چگونگی توزیع تنوع ژنتیکی جمعیت های گیاهی، منعکس کننده بر همکنش فرایندهای تکاملی مختلف مانند جریان ژنی، موتاسیون، رانده شدن ژنتیکی و انتخاب طبیعی می باشند. آگاهی از تنوع ژنتیکی یک گونه می تواند به اصلاحگر برای چگونگی جمع آوری و استفاده از منابع ژنتیکی مختلف و پیش بینی فواید ژنتیکی بالقوه، در برنامه های اصلاحی کمک کند. از این رو 10 ژنوتیپ از تمشک سازگاری یافته خارجی از کلکسیون تمشک دانشگاه علوم کشاورزی ساری جمع آوری و از طریق نشانگر مولکولی ISSR با استفاده از 5 پرایمر ارزیابی تنوع ژنتیکی صورت گرفت. نتایج در خوشه بندی نشان داد که کل ژنوتیپ ها در سه گروه که گروه اول پنج ژنوتیپ، گروه دوم، سه ژنوتیپ و گروه سوم، دو ژنوتیپ قرار گرفتند و همچنین بر اساس ضریب تشابه جاکارد ضرایب تشابه در دامنه 0/51 الی 0/22 متغیر بود. با توجه به نتایج این تحقیق، می توان به این نتیجه رسید که بررسی تنوع ژنتیکی ژنوتیپ های ارقام بومی تمشک با استفاده از نشانگر ISSR مفید بوده و نشانگر ISSR می تواند به عنوان یک سیستم نشانگر مناسب جهت تشخیص تنوع و روابط ژنتیکی در برنامه اصلاحی این گیاه مورد استفاده قرار گیرد.

## کلمات کلیدی:

تنوع ژنتیکی، تمشک، ISSR

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/932292>

