

## عنوان مقاله:

بررسی تکاملی اسب سانان با استفاده از ژنوم میتوکندریایی

## محل انتشار:

پنجمین کنفرانس ملی و اولین کنفرانس بین المللی کشاورزی ارگانیک و مرسوم (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

## نویسندگان:

مصطفی عمری کولانکوه - گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

نعمت هدایت ایوریق - گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

آزاده بوستان - گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

رضا سیدشریفی - گروه علوم دامی، دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

## خلاصه مقاله:

منشا و تاریخ اهلی شدن اسب چندین دهه در زیست شناسی و باستان شناسی مورد مطالعه قرار گرفته است. ژنوم میتوکندریایی با توجه به نرخ جهش بالا، عدم نوترکیبی و اثربری مادری یک نشانگر قدرتمند در مطالعات فیلوژنتیک و فیلوژئوگرافیک به حساب می آید این مطالعه با هدف بررسی تکاملی اسب سانان با استفاده از ژنوم میتوکندریایی انجام گرفت. جهت انجام این مطالعه از توالی یابی ناحیه کنترل (D-Loop) و توالی های موجود در پایگاه NCBI برای گورخر و الاغ استفاده شد. سپس درخت فیلوژنی جهت بررسی تکاملی گونه اسب سانان ترسیم گردید که منجر به ایجاد 61 شاخه متفاوت در سه کلاستر گردید. در داخل این گراف گورخر معمولی یک گروه فشرده را به خود اختصاص داده است. اسب ها و الاغ با وجود اینکه در گروه متمایزی قرار داشتند نسبت به گورخر از لحاظ تکاملی نزدیک به هم بودند. کمترین سطوح فاصله ژنتیکی بین گورخر و الاغ مشاهده شد که نشاندهنده نزدیکی روابط فیلوژنتیکی آنها است. بیشترین سطوح مقدار تمایز ژنتیکی بین اسب و گورخر مشاهده گردید.

## کلمات کلیدی:

ژنوم میتوکندریایی، فیلوژنتیک، اسب سانان، فاصله ژنتیکی، تمایز ژنتیکی

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/933090>

