

عنوان مقاله:

شناسایی نشانگرهای ریزماهواره ای جهت استفاده تنوع زیستی در شتر های دو کوهانه

محل انتشار:

اولین کنفرانس بین‌المللی و چهارمین کنفرانس ملی صیانت از منابع طبیعی و محیط زیست (سال: 1398)

تعداد صفحات اصل مقاله: 8

نویسندگان:

ناهیده زارع ابوریق - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

نعمت هدایت - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

رضا سید شریفی - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

رضا خلخالی - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

آزاده بوستان - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

خلاصه مقاله:

شترها نقشی کلیدی در تامین غذا برای مردمی دارند که در بیابان های سرد و گرم جهان زندگی می کنند. برخلاف شترهای تک کوهانه، اندازه جمعیت شترهای دوکوهانه کوچکتر بوده و در برخی کشورها مانند ایران، در خطر انقراض قرار دارند. در مطالعه حاضر ژنوم شتر های دو کوهانه توالی یابی و گردآوری گردید و پراکنش ریزماهواره ها مورد بررسی قرار گرفت. جهت انجام آزمایش توالی یابی کامل ژنوم با استفاده از پلتفرم ایلومینا انجام گردید سپس بعد از تعیین کیفیت و ارزیابی وضعیت توالیها، از برنامه MISA برای شناسایی ریز ماهواره های گسترده ژنوم استفاده شد. نتایج ارزیابی ها و آنالیزهای منجر به شناسایی 45753 ریزماهواره برای شترهای دوکوهانه گردید که تقریباً 3 Mb ژنوم شتر های دو کوهانه را تشکیل می دهد. که نتایج بدست آمده تقریباً مشابه سایر پستانداران می باشند. به توجه به شناسایی موثر نشانگرهای ریزماهواره ای می توان با طراحی استرانژی آمیزشی مناسب باعث کاهش هم خونی و متعاقباً افزایش تنوع زیستی شده و از انقراض احتمالی در آینده بخصوص در مورد گونه های در حال انقراض مانند شتر بهره جست.

کلمات کلیدی:

شترهای دوکوهانه، نشانگرهای ریزماهواره ای، ژنوم، تنوع زیستی.

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/961415>

