

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی ژن سیتوکروم b در شترهای دوکوهانه و تک کوهانه ایرانی

محل انتشار:

اولین کنفرانس بین‌المللی و چهارمین کنفرانس ملی صیانت از منابع طبیعی و محیط زیست (سال: 1398)

تعداد صفحات اصل مقاله: 10

نویسندگان:

زهرا درگاهی - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

نعمت هدایت - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

رضا سیدشریفی - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

رضا خلخالی - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

میرداریوش شکوری - گروه علوم دامی دانشکده کشاورزی و منابع طبیعی، دانشگاه محقق اردبیلی

خلاصه مقاله:

اطلاعات در مورد میزان تنوع ژنتیکی و زیر ساختار جمعیت برای هر یک از این برنامه ها بسیار مهم است و شناخت تنوع ژنتیکی و اتصال ژنتیکی در میان جمعیت های باقی مانده از این گونه های در معرض انقراض برای شروع برنامه ریزی گونه ای لازم است. در این مطالعه، به بررسی تنوع ژنتیکی و ساختار جمعیتی شترهای دوکوهانه و تک کوهانه با استفاده از توالی یابی ژن سیتوکروم b پرداخته شد. آنالیز داده ها منجر به شناسایی 16 هاپلوטיפ در میان نمونه ها شد و هاپلوטיפ اصلی آن ها شامل H7، H1، و H16 بود. شاخص های مولکولی در شتر دوکوهانه شامل تنوع هاپلوטיפی و تنوع نوکلئوتیدی به ترتیب 0/942 و 0/00421 محاسبه شد در حالی که در شتر تک کوهانه به ترتیب 0/493 و 0/00131 بدست آمد. این نتایج نشان داد که تنوع ژنتیکی در نمونه های شتر دوکوهانه بر اساس تجزیه ژن Cytb بیشتر است. آنالیز شبکه ای و فیلوژنتیکی منجر به دسته بندی شتر ها در دو کلاستر کاملا متفاوت شد. این نتایج نشان می دهد که شترهای دوکوهانه و تک کوهانه از نظر پایه مادری متفاوت از هم هستند و در گذشته دور از هم اشتقاق یافته اند.

کلمات کلیدی:

تنوع ژنتیکی، سیتوکروم b، شتر، فیلوژنتیکی.

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/961417>

