

عنوان مقاله:

بررسی و تحلیل پایگاه داده بیولوژیکی TCGA

محل انتشار:

چهارمین کنفرانس ملی تکنولوژی در مهندسی برق و کامپیوتر (سال: 1398)

تعداد صفحات اصل مقاله: 7

نویسنده:

حسن نصرتی ناهوک - مربی، گروه مهندسی کامپیوتر و فناوری اطلاعات، دانشگاه پیام نور، ایران

خلاصه مقاله:

TCGA یک تلاش جامع و هماهنگ برای سرعت بخشیدن به درک ما از مبنای مولکولی سرطان از با استفاده از فن آوری های تجزیه و تحلیل ژنوم، از جمله توالی بندی ژنوم در مقیاس بزرگ است. مجموعه داده TCGA که حاوی بیش از دو پتابایت داده ژنومی است، به صورت عمومی در دسترس است و این اطلاعات ژنومیکی به جامعه پژوهشی سرطان کمک می کند تا پیشگیری، تشخیص و درمان سرطان را بهبود بخشد. TCGA یکی از مهمترین پروژه ها در پایگاه داده های بیولوژیکی از حوزه بیوانفورماتیک می باشد. هدف ما در این مقاله بررسی بخش های مختلف پایگاه داده TCGA است که موجودیت ها و روابط استخراج شده در نتایج آمده اند که نشان از پیچیدگی این پایگاه داده بزرگ می باشد و به صورت مدل رابطه ای نشان داده شده است.

کلمات کلیدی:

TCGA، RNA، GDC، DNA، ژنوم، موجودیت ها

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/989061>

