

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی و شناسایی ارقام هلو در استان چهارمحال و بختیاری با استفاده از نشانگر مولکولی SSR

محل انتشار:

کنگره بین المللی سالانه یافته های نوین در علوم کشاورزی و منابع طبیعی، محیط زیست و گردشگری (سال: 1398)

تعداد صفحات اصل مقاله: 20

نویسنده:

طیبه بیک زاده شهرکی - فارغ التحصیل کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی کشاورزی

خلاصه مقاله:

در بررسی حاضر به منظور بررسی تنوع ژنتیکی و شناسایی ارقام هلو در استان چهارمحال و بختیاری با استفاده از نشانگر مولکولی SSR تعداد 22 نمونه برگ ارقام هلو از شهرستان های لردگان، سامان، شهرکرد، اردل و بن جمع آوری شدند. استخراج DNA با استفاده از روش موری و تامسپون انجام شدو برای تکثیر DNA و بررسی تنوع ژنتیکی با کمک نشانگرهای SSR، آغازگرها طبق توالیهای انتشار یافته توسط محققین مختلف، سفارش داده شد. شناسایی محصولات تکثیر یافته توسط PCR با الکتروفورز و رنگ آمیزی ژل انجام شد و نتایج حاصل از مطالعات مولکولی مورد بررسی قرار گرفت. در این پژوهش، بهمنظور تجزیه و تحلیل داده ها از نرم افزارهای GenAlex6.4، Popagen32، NTSYS(V2.02) و Power marker(V3.25) استفاده شد. از مجموع 32 آغازگر استفاده شده در مجموع 79 نوار تکثیر شد. از این تعداد، در 62 نوار (بهطور میانگین % 78/48 نوارها) چند شکلی (پلی مورفیسم) مشاهده شد. میانگین تعداد نوارهای تکثیر شده به ازای هر آغازگر 2/46 و میانگین تعداد نوارهای چند شکل برای هر آغازگر % 1/9 بود. تجزیه کلاستر با استفاده از ضریب تشابه جاکارد مبتنی بر روش UPGMA انجام شد. بر اساس نتایج حاصل از دندروگرام، افراد در 5 گروه مجزا در سطح تشابه 63 درصد طبقه بندی شدند. میزان تنوع در جمعیت بن با شاخص شانون و شاخص نی برابر با $H_0/203=$ و $0/306=$ (بیش از سایر جمعیتها است. این جمعیت دارای تنوع پذیری و همچنین میزان پراکندگی بالاتری نسبت به سایر جمعیتها است و جمعیت سامان کمترین تنوع پذیری و پایینترین میزان پراکندگی را دارا است. در مجموع این پژوهش نشان داد که نشانگرهای SSR میتواند برای بررسی تنوع ژنتیکی گونه *Prunus persica(L) Batch* گزینه بسیار مناسبی باشد.

کلمات کلیدی:

هلو- تنوع ژنتیکی- نشانگر مولکولی- SSR

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/998160>

